Search hit for SEQ Id NO 2 from 10/593,425. /vgp/

  Query Match   99.4%; Score 1718; DB 5; Length 348;
  Best Local Similarity 99.4%; Pred. No. 1.4e-140;
  Matches 346; Conservative   1; Mismatches   1; Indels   0; Gaps   0;

Qy   1 MSDRQAALDMALKQIEKQFGKGSIMKLGEQTETRISTVPSGSLALDAALGVGGYPRGRII 60
          |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   1 MSDRQAALDMALKQIEKQFGKGSIMKLGEQTETRISTVPSGSLALDAALGVGGYPRGRII 60

Qy   61 EVYGPESSGKTTVALHAIAEVQQQGGQAAFIDADTALDPVYAQKLGVNIDELLLSQPDTG 120
          |||||||||||||||||||||||||||||: |||||||||||||||||||||||||||||
Db   61 EVYGPESSGKTTVALHAIAEVQQQGGQAAFIDAEHALDPVYAQKLGVNIDELLLSQPDTG 120

Qy   121 EQALEIAEALVRSGAVDIVVIDSVAALVPKAEIEGDMGDSHVGLQARLMSQALRKLSGAI 180
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   121 EQALEIAEALVRSGAVDIVVIDSVAALVPKAEIEGDMGDSHVGLQARLMSQALRKLSGAI 180

Qy   181 NKSKTIAIFINQIREKVGVMFGNPETTPGGRALKFYSSVRLEVRRAEQLKQGNDVMGNKT 240
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   181 NKSKTIAIFINQIREKVGVMFGNPETTPGGRALKFYSSVRLEVRRAEQLKQGNDVMGNKT 240

Qy   241 KIKVVKNKVAPPFRTAEVDIMYGEGISKEGEIIDLGTELDIVQKSGAWYSYQEERLGQGR 300
          ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   241 KIKVVKNKVAPPFRTAEVDIMYGEGISKEGEIIDLGTELDIVQKSGAWYSYQEERLGQGR 300

Qy   301 ENAKQFLKENKDILLMIQEQIREHYGLDTGGAAPAQEDEAQAQEELEF 348
          |||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||
Db   301 ENAKQFLKENKDILLMIQEQIREHYGLDTGGAAPAQEDEAQAQEELEF 348